

## OBSAH

Predhovor  
PodĎakovanie

<b>1. Úvod</b>	<b>5</b>
<b>2. Databázy biologických dát</b>	<b>6</b>
2.1 Rozdelenie a zameranie biologických databáz	8
2.2 Primárne databázy	11
2.3 Sekundárne databázy	16
2.4 Špecializované databázy	18
2.5 Integrované databázové systémy a biologické portály	21
<b>3. Formáty databázových záznamov</b>	<b>24</b>
3.1 Formát <i>flatfile</i>	26
3.2 Formát FASTA	29
3.3 Formát PIR/NBRF	31
3.4 Ďalšie typy formátov	31
<b>4. Štruktúra databázového formátu <i>flatfile</i></b>	<b>34</b>
4.1 Štruktúra sekvenčného záznamu ( <i>flatfile</i> )	34
4.2 Anotácia sekvencií treťou stranou, TPA (Third Party Annotation)	44
4.3 Referenčné sekvenčné záznamy, RefSeq (Reference Sequences)	45
4.4 EMBL Genome reviews	46
4.5 Zasielanie sekvencií do databázy	46
<b>5. Vyhľadávanie a získavanie informácií v biologických databázach</b>	<b>48</b>
5.1 Štruktúra a možnosti vyhľadávania v rozhraní Entrez	49
5.2 Vyhľadávanie sekvenčných záznamov v databáze GenBank (NCBI)	55
5.3 Vyhľadávanie publikačných záznamov PubMed/MEDLINE	60
<b>6. Úlohy</b>	<b>67</b>
<b>7. Terminológia</b>	<b>69</b>
<b>8. Zoznam použitej literatúry</b>	<b>72</b>