

## OBSAH

Predhovor  
Pod'akovanie

|  |           |
|--|-----------|
| <b>1. Úvod</b>   | <b>5</b>  |
| <b>2. Databázy biologických dát</b>                                      | <b>6</b>  |
| 2.1 Rozdelenie a zameranie biologických databáz                          | 8         |
| 2.2 Primárne databázy  | 11        |
| 2.3 Sekundárne databázy  | 16        |
| 2.4 Špecializované databázy  | 18        |
| 2.5 Integrované databázové systémy a biologické portály                  | 21        |
| <b>3. Formáty databázových záznamov</b>                                  | <b>24</b> |
| 3.1 Formát <i>flatfile</i>   | 26        |
| 3.2 Formát FASTA   | 29        |
| 3.3 Formát PIR/NBRF  | 31        |
| 3.4 Ďalšie typy formátov   | 31        |
| <b>4. Štruktúra databázového formátu <i>flatfile</i></b>                 | <b>34</b> |
| 4.1 Štruktúra sekvenčného záznamu ( <i>flatfile</i> )                    | 34        |
| 4.2 Anotácia sekvencií treťou stranou, TPA (Third Party Annotation)      | 44        |
| 4.3 Referenčné sekvenčné záznamy, RefSeq (Reference Sequences)           | 45        |
| 4.4 EMBL Genome reviews  | 46        |
| 4.5 Zasielanie sekvencií do databázy                                     | 46        |
| <b>5. Vyhľadávanie a získavanie informácií v biologických databázach</b> | <b>48</b> |
| 5.1 Štruktúra a možnosti vyhľadávania v rozhraní Entrez                  | 49        |
| 5.2 Vyhľadávanie sekvenčných záznamov v databáze GenBank (NCBI)          | 55        |
| 5.3 Vyhľadávanie publikačných záznamov PubMed/MEDLINE                    | 60        |
| <b>6. Úlohy</b>  | <b>67</b> |
| <b>7. Terminológia</b>   | <b>69</b> |
| <b>8. Zoznam použitej literatúry</b>                                     | <b>72</b> |